

検査案内書【保険】

遺伝性自己炎症疾患遺伝子検査

K010-14 / Ver 16

運用開始日 2026年6月1日

かずさ遺伝子検査室

改訂履歴

No.	改訂内容	Ver.	運用開始日	作成者	承認者
1	新規作成	1	2018/4/9	小原 収	森 千恵
2	鑑別診断遺伝子の追加	2	2018/8/13	細川淳一	森 千恵
3	概略の修正(報告対象の明文化)	3	2019/4/1	細川淳一	糸賀栄
4	鑑別診断遺伝子の一部修正	4	2019/7/12	細川淳一	糸賀栄
5	検査項目変更	5	2019/12/19	細川淳一	糸賀栄
6	一部文言修正	6	2020/11/6	細川淳一	糸賀栄
7	intron領域の追加	7	2021/1/13	細川淳一	糸賀栄
8	intron領域の追加	8	2021/5/18	細川淳一	糸賀栄
9	書式変更	9	2022/4/1	細川淳一	糸賀栄
10	TMEM173からSTING1に変更	10	2022/4/12	細川淳一	糸賀栄
11	領域追加	11	2022/11/24	細川淳一	糸賀栄
12	(11)検査依頼書の記載項目の変更	12	2023/4/1	森 千恵	糸賀栄
13	intron領域の変更	13	2024/6/1	細川淳一	糸賀栄
14	表紙の変更	14	2025/4/1	森 千恵	糸賀栄
15	検査対象遺伝子および鑑別診断遺伝子の追加	15	2025/9/1	石毛崇之	糸賀栄
16	様式の変更	16	2026/6/1	石毛崇之	糸賀栄

検査項目: 遺伝性自己炎症疾患

検査名: 遺伝性自己炎症疾患遺伝子検査

1. 概略

遺伝性自己炎症疾患は、自然免疫系に関わる遺伝子異常を原因とし、生涯にわたり持続する炎症を特徴とする疾患群である。本検査の対象はNLRC4異常症、アデノシンデアミナーゼ-2 (Adenosine deaminase-2: ADA2)欠損症、A20ハプロ不全症、エカルディ・グティエール症候群(Aicardi-Goutières Syndrome: AGS)を対象とする。

NLRC4異常症はNLRC4分子の機能獲得変異により発症し、IL-1 β とIL-18が過剰産生され炎症が惹起される。責任遺伝子はNLRC4であり、この遺伝子の病的バリエーションを同定することで確定診断に至る。ADA2欠損症はADA2分子をコードするADA2遺伝子変異により発症する常染色体潜性(劣性)遺伝疾患である。ADA2欠損症はその責任遺伝子であるADA2の病的バリエーションを同定することで確定診断に至る。A20ハプロ不全症においては、TNFAIP3遺伝子のヘテロ接合性変異によりA20の半量が喪失することで、TNF- α シグナル伝達の異常が起こり、種々の炎症性サイトカインが過剰産生され炎症が惹起される。この原因遺伝子は顕性(優性)遺伝することが知られている。本疾患の責任遺伝子はTNFAIP3であり、この病的バリエーションを同定することで確定診断に至る。エカルディ・グティエール症候群の責任遺伝子としてはTREX1, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, SAMHD1, ADAR, IFIH1の7つが報告されている。いずれも核酸の代謝や細胞質内の核酸認識に関与する遺伝子であり、I型インターフェロンの過剰産生により炎症が持続する。

2. 解析対象遺伝子

解析対象遺伝子は以下の通り。いずれもアレル頻度1%以下のものを報告対象とする。

Panel 1 (遺伝性自己炎症)

報告書対象遺伝子: ADA2, NLRC4, TNFAIP3

鑑別・補助診断用遺伝子: MEFV, TNFRSF1A, NLRP3, MVK, NOD2, PSTPIP1, PSMB8, TREX1

Panel 2 (AGS/プロテアソーム)

報告書対象遺伝子: RNASEH2A, SAMHD1, RNASEH2B, RNASEH2C, TREX1, IFIH1, ADAR, RNU7-1, LSM11

鑑別・補助診断用遺伝子: STING1, PSMB8, PSMA3, PSMB4, PSMB9, POMP, PSMB10, PSMG2, PSMD12, COPA, USP18

Panel 3 (インフラマソーム関連)

報告書対象遺伝子: NLRC4, TNFAIP3

鑑別・補助診断用遺伝子: ADA2, IL1RN, LPIN2, NLRP1, RIPK1, PIGT, PSMB8, MEFV, MVK, NLRP12,

NLRP3, PLCG2, NOD2, CDC42, TNFRSF1A, PSTPIP1, IL1R1, XIAP, PMVK

Panel 4 (I型インターフェロン症)

報告書対象遺伝子: *ADA2*

鑑別・補助診断用遺伝子: *STING1, ACP5, ATAD3A, DNASE1L3, DNASE2, POLA1, STAT2, USP18, PTPN2, OAS1, TBK1, CEBPE, TLR7, TLR8, SAMD9L, C2orf69, STAT4*

Panel 5 (NF-κB関連)

報告書対象遺伝子: *TNFAIP3*

鑑別・補助診断用遺伝子: *ADAM17, HCK, LYN, SYK, HAVCR2, SLC29A3, ALPK1, ELF4, RBCK1, RELA, OTULIN, SH3BP2, SHARPIN, RNF31, WDR1, NCKAP1L, TRNT1, DOCK11*

3. 検査対象領域

対象遺伝子のタンパク質コード領域（エクソンおよび近傍のスプライス部位）を解析対象とする。さらに、既知の病的バリエントが報告されている調節領域およびイントロン深部領域（ディープイントロン領域）については、別表1に示す領域の中から、各対象遺伝子に対応するもののみを解析対象とする。*注. 別表1に示すすべてを一律に対象とするのではない。また該当遺伝子が無い場合もある。)

[別表1\(ここをクリック\)](#)

4. 検査方法

短鎖リード型次世代シーケンサーを用い、ハイブリダイゼーション法あるいはPCR法により対象領域を濃縮・配列決定する。検出対象は塩基置換および短い欠失・挿入バリエント（アミノ酸置換、終止コドン、フレームシフト、スプライシング異常をきたすもの）とする。必要に応じてサンガー法による確認解析を行う。

5. 報告対象および制限事項

一般集団でのアレル頻度が一定基準を下回るものを報告対象とする。

体細胞モザイクは検出可能な範囲で報告対象に含める。

なお、本法では高精度な検出が困難なため、以下の項目は原則として報告対象外となる。

- ・大規模な欠失・重複等のコピー数変化
- ・大規模な構造異常

6. 検体の種類

原則として血液のみを受け付ける。

*調製済みDNAについては、やむを得ない場合に限り個別に判断し受け入れを検討する。

7. 基準値及び判定基準

国際的に標準とされるヒトゲノムリファレンス配列と比較を行い、低出現頻度バリエーションの有無を判定する。

8. 医療機関に緊急報告を行うこととする検査値の範囲

該当なし（本検査は緊急報告の対象ではない）

9. 検査に要する日数

検体が弊所に到着した日から、60営業日以内とする。

10. 測定を委託する場合にあっては、実際に測定を行う衛生検査所の名称

測定の委託は行なっていない。

11. 検体の採取条件

医療機関において、検査の目的や限界について十分に説明し、本検査の申し込みに関する同意を得ること。

12. 検体の採取容器

弊所より発行した「匿名化ID記載ラベル」を貼付した採血管1本
（真空密封型採血管：EDTA-2KまたはEDTA-2Na入り）

13. 検体の採取量

血液を1 mL以上を採取する。

14. 検体の保存条件

採血後は速やかに冷蔵、または凍結にて保管する。

15. 検体の提出条件

上記12～14の条件を満たす検体については、箱に収容し、室温で弊所へ発送する。

なお、必要に応じて保冷剤の同梱も可とする。

原則として、発送日の翌日に到着するよう手配する。

16. 検査依頼書及び検体のラベルの記載項目

検体貼付用ラベルには、匿名化IDおよび検体管理用IDを記載する。

検査依頼書については、当検査室指定の様式を使用する。

主な記載項目は以下の通り。

- ・匿名化ID
- ・希望する検査項目（疾患名、検査コード番号、検体数）
- ・医療機関情報
- ・ガイドライン遵守の確認
- ・請求書送付先情報

17. 検体を医療機関から衛生検査所まで搬送するのに要する時間

発送日の翌日着を原則とする。

土日祝日は受付業務を行っていないため、配送日時に十分注意する。

18. 検査のお申し込み、お問い合わせ

公益財団法人かずさDNA研究所 遺伝子検査室（かずさ遺伝子検査室）

〒292-0818 千葉県木更津市かずさ鎌足2丁目5-23

<https://www.kazusa.or.jp/genetest/index.html>

E-mail: onjk@kazusa.or.jp